

1 Introduktion

Denna laborationen kommer på redovisningstillfället att bedömas som antingen godkänd eller ej godkänd. De studenter som blir godkända på laborationen behöver inte lösa uppgift 12 på tentamens del I och får dessutom 3 bonuspoäng på tentamens del II. Observera att dessa fördelar endast gäller vid den ordinarie tentamen och det första omtentamenstillfället.

Läs först igenom labbspecifikationen två gånger. Försäkra dig om att du förstår hur de MATLAB-kommandon som finns i den bifogade koden fungerar. Uträkningarna och svaren på förberedelseuppgifterna ska kunna redovisas **individuellt**. Arbete i grupp är tillåtet (och uppmuntras) med **högst två** personer per grupp. **Ta med** en utskriven kopia av labbspecifikationen till redovisningstillfället för att kunna använda som kvitto på att laborationen är godkänd.

2 Förberedelseuppgifter

1. En Rayleighfördelad stokastisk variabel X har täthetsfunktionen

$$f_X(x) = \frac{x}{b^2} e^{-\frac{x^2}{2b^2}}.$$

Antag nu att du har n stycken Rayleighfördelade variabler.

- a) Härled ML-skattningen av b .
 - b) Härled MK-skattningen av b utgående från Q-funktionen i §9.2 i Formelsamlingen.
2. Ta fram ett approximativt konfidensintervall för parametern b (visa även alla beräkningar). Motivera varför det är rimligt att göra den approximation som du har gjort. Ledning: Använd MK-skattningen av b .
 3. Beskriv idén bakom linjär regression. Beskriv hur man i MATLAB m.h.a. kommandot **regress** kan skatta parametrarna i modellen

$$w = \log(y_k) = \beta_0 + \beta_1 x_k + \varepsilon_k \quad (1)$$

3 Nödvändiga filer

Börja med att ladda ner följande filer från kurshemsidan.

- `wave_data.mat`
- `hist_density.m`
- `birth.dat`
- `birth.txt` - beskrivning av datat `birth.dat`
- `moore.dat`

Se till att filerna ligger i den mapp du kommer att arbeta i. För att kontrollera att du har lagt filerna rätt, skriv `ls` och se om filerna ovan listas. Du kan skriva dina kommandon direkt i MATLAB-prompten men det är absolut att föredra att arbeta i editorn. Om den inte är öppen så kan du öppna den och skapa ett nytt dokument genom att skriva `edit lab2.m`. Koden som ges nedan är skriven i celler. En ny cell påbörjas genom att skriva två procenttecken. `Ctrl+Enter` exekverar innehållet i en cell.

4 Laborationsuppgifter

Problem 1 - Simulering av konfidensintervall

Ett konfidensintervall med konfidensgrad $1 - \alpha$ för en (okänd) parameter μ innehåller det sanna μ med sannolikhet $1 - \alpha$. Vi ska försöka förstå innebörden av detta begrepp med hjälp av simuleringar. Koden nedan använder $n = 25$ oberoende observationer från $N(2, 1)$ -fördelningen för att skatta ett konfidensintervall för väntevärdet med konfidensgrad 95%. Detta upprepas 100 gånger vilket ger 100 konfidensintervall. Hur många av dessa intervall kan förväntas innehålla det sanna värdet på μ ?

```
1 %% Problem 1: Simulering av konfidensintervall
2 % Parametrar:
3 n = 25; %Antal matningar
4 mu = 2; %Vantevärdet
5 sigma = 1; %Standardavvikelsen
6 alpha = 0.05;
7 %Simulerar n observationer for varje intervall
8 x = normrnd(mu, sigma,n,100); %n x 100 matris med varden
9 %Skattar mu med medelvärdet
10 xbar = mean(x); %vektor med 100 medelvarden.
11 %Beraknar de undre och ovre granserna
12 undre = xbar - norminv(1-alpha/2)*sigma/sqrt(n);
13 ovre = xbar + norminv(1-alpha/2)*sigma/sqrt(n);
```

```
1 %% Problem 1: Simulering av konfidensintervall (forts.)
2 %Ritar upp alla intervall
3 figure(1)
4 hold on
5 for k=1:100
6     if ovre(k) < mu % Rodmarkerar intervall som missar mu
7         plot([undre(k) ovre(k)], [k k], 'r')
8     elseif undre(k) > mu
9         plot([undre(k) ovre(k)], [k k], 'r')
10    else
11        plot([undre(k) ovre(k)], [k k], 'b')
12    end
13 end
14 %b1 och b2 ar bara till for att figuren ska se snygg ut.
15 b1 = min(xbar - norminv(1 - alpha/2)*sigma/sqrt(n));
16 b2 = max(xbar + norminv(1 - alpha/2)*sigma/sqrt(n));
17 axis([b1 b2 0 101]) %Tar bort outnyttjat utrymme i figuren
18 %Ritar ut det sanna vardet
19 plot([mu mu], [0 101], 'g')
20 hold off
```

Vad visar de horisontella strecken och det vertikala strecket? Hur många av de 100 intervallen innehåller det sanna värdet på μ ? Stämmer resultatet med dina förväntningar? Kör simuleringarna flera gånger.

Variera nu μ , σ , n och α (en i taget) och ser hur de olika parametrarna påverkar resultatet.

Problem 2 - Maximum likelihoodskattning och minsta kvadrat-skattning

I denna uppgift ska vi undersöka två olika punktskattningar av värdet på parametern i en Rayleighfördelning. Koden nedan genererar en samling Rayleighfördelade stokastiska variabler med parametervärde 4 och plottar sedan skattningarna `my_est_ml` och `my_est_mk`. Använd dina två skattningar från förberedelseuppgift 1.

```
1 %% Problem 2: Maximum likelihood/Minsta kvadrat
2 M = 1e4;
3 b = 4;
4 x = raylrnd(b, M, 1);
5 hist_density(x, 40)
6 hold on
7 my_est_ml = % Skriv in din ML-skattning har
8 my_est_mk = % Skriv in din MK-skattning har
9 plot(my_est_ml, 0, 'r*')
10 plot(my_est_mk, 0, 'g*')
11 plot(b, 0, 'ro')
12 hold off
```

Ser din skattning bra ut? Kontrollera hur täthetsfunktionen ser ut genom att plotta den med din skattning:

```
1 %% Problem 2: Maximum likelihood/Minsta kvadrat (forts.)
2     plot(0:0.1:6, raylpdf(0:0.1:6, my_est_ml), 'r')
3     hold off
```

Problem 3 - Konfidensintervall för Rayleighfördelning

Vi ska nu undersöka en Rayleighfördelad signal, bestämma en punktskattning av parametervärdet samt ta fram ett konfidensintervall för parametern. Ladda in data genom att skriva `load wave_data.mat`. Filen innehåller en signal som du kan plotta genom att skriva följande kod.

```
1 %% Problem 3: Konfidensintervall for Rayleighfordelning
2     load wave_data.mat
3     subplot(2,1,1), plot(y(1:100))
4     subplot(2,1,2), hist_density(y)
```

Om du ändrar `y(1:100)` till `y(1:end)` så kan du se hela signalen. Skatta parametern i datat på samma sätt som i Problem 2. Spara din skattning som `my_est`. Ta fram ett konfidensintervall för skattningen och spara övre respektive undre värdet som `upper_bound` respektive `lower_bound`. Plotta nu intervallet för din skattning av parametern

```
1 %% Problem 3: Konfidensintervall (forts.)
2     hold on      % Gör så att plotten hålls kvar
3     plot(lower_bound, 0, 'g*')
4     plot(upper_bound, 0, 'g*')
```

Kontrollera hur täthetsfunktionen ser ut genom att plotta den med din skattning på samma vis som i föregående avsnitt:

```
1 %% Problem 3: Konfidensintervall (forts.)
2     plot(0:0.1:6, raylpdf(0:0.1:6, my_est), 'r')
3     hold off
```

Ser fördelningen ut att passa bra?

Rayleighfördelningen kan t.ex. användas för att beskriva hur en radiosignal avtar. Experimentella mätningar på Manhattan har visat att Rayleighfördelningen beskriver radiosignalers fädning (engelska: fading) på ett bra sätt i den sortens stadsmiljö [1].

Problem 4 - Jämförelse av fördelningar hos olika populationer

I denna uppgift undersöker vi en datamängd visuellt med hjälp av MATLAB för att se om vi kan göra några intressanta iakttagelser. Filen `birth.dat` innehåller data om 747 förstföderskor i Malmö under åren 1991-1993. Filen innehåller olika 26 variabler, varav några är numeriska (såsom längd och vikt hos modern) och andra kategoriska, dvs antar ett av 2-3 fixa värden (exempelvis "1" om barnet var planerat och "2" om det inte var planerat). Använd informationen i `birth.txt` och MATLAB-funktionerna `subplot` och `hist_density.m` för att generera en figur med fyra olika histogram som visar fördningarna för barnets födelsevikt, moderns ålder, moderns längd respektive moderns vikt.

Det är av medicinskt intresse att bestämma riskfaktorer som ökar sannolikheten för att en barn föds med alltför låg födelsevikt. Låg födelsevikt definieras som en födelsevikt under 2500 g, mycket låg födelsevikt som en födelsevikt under 1500 g och extremt låg födelsevikt som en födelsevikt under 1000 g. Vi kan använda den givna datamängden för att försöka dra slutsatser om riskfaktorer för låg födelsevikt genom att jämföra viktfordelningen för barn vars mödrar har en viss riskfaktor med viktfordelning för barn vars mödrar saknar riskfaktorn.

En känd riskfaktor för låg födelsevikt hos nyfödda är rökning. Vi undersöker därför skillnaden i födelsevikt mellan barn vars mammor röker respektive inte röker under graviditeten. I filen `birth.txt` ser man att kolonn 20 i `birth.dat` innehåller rökvanor och att värdena 1 och 2 betyder att mamman inte röker under graviditeten, medan värdet 3 betyder att hon gör det. Skapa två variabler `x` och `y` för födelsevikter hörande till icke-rökande respektive rökande mammor enligt

```
1 %% Problem 4: Fördelningar av givna data
2     load birth.dat
3     x = birth(birth(:, 20) < 3, 3);
4     y = birth(birth(:, 20) == 3, 3);
```

Vad som händer här är att `birth(:, 20) < 3` returnerar en vektor av "sant" och "falskt" och att bara de rader av kolonn 3 (födelsevikterna) i `birth` för vilka jämförelsen är sann, väljs ut. Använd funktionen `length` eller kommandot `whos` för att se storleken på vektorerna `x` och `y`. Använd koden nedan för att visuellt inspektera datat.

```
1 %% Problem 4: Fördelningar av givna data (forts.)
2     subplot(2,2,1), boxplot(x),
3     axis([0 2 500 5000])
4     subplot(2,2,2), boxplot(y),
5     axis([0 2 500 5000])
```

```
1 %% Problem 4: Fordelningar av givna data (forts.)
2 subplot(2,2,3:4), ksdensity(x),
3 hold on
4 [fy, ty] = ksdensity(y);
5 plot(ty, fy, 'r')
6 hold off
```

Vad betyder plotarna? Vilka slutsatser kan du dra om rökande mödrars påverkan på barns födelsevikt?

Välj nu ut en annan av de kategoriska variablerna i datat som du miss-tänker kan påverka födelsevikten och undersök med samma metod om det förefaller föreligga ett samband mellan variabeln och födelsevikten. Observera att om du väljer en kategorisk variabel med tre olika värden, så behöver du göra om den till en variabel med två olika värden på samma sätt som för rökvanefvariabeln ovan.

Problem 5 - Test av normalitet

Många statistiska metoder baseras på antagandet att datat är normalfördelat. Det är därför av intresse att kunna avgöra om en given datamängd är normalfördelad eller ej. Två metoder för att visuellt undersöka om en datamängd är normalfördelad ges av de båda MATLAB-kommandona `normplot` och `qqplot` som båda jämför den empiriska datamängdens kvantiler med kvantilerna för en normalfördelning. Undersök med ett av dessa kommandon om variablerna för barnets födelsevikt, moderns ålder, moderns längd och/eller moderns vikt kan sägas vara normalfördelade och om inte på vilket sätt de olika variablerna avviker från normalfördelning slumpvariabler.

Metoderna `normplot` och `qqplot` bygger på att man gör en visuell bedömning av en graf och innehåller därför ett visst mått av subjektivitet. Det finns dock statistiska test för att avgöra normalitet. Ett sådant är Jarque-Beras test av normalitet som bygger på en jämförelse mellan det empiriska datats skevhet och kurtosis och motsvarande storheter för en normalfördelning. För en slumpvariabel X med väntevärde μ och standardavvikelse σ definieras skevheten γ och kurtosisen κ som

$$\gamma = E \left[\left(\frac{X - \mu}{\sigma} \right)^3 \right] \quad \text{respektive} \quad \kappa = E \left[\left(\frac{X - \mu}{\sigma} \right)^4 \right].$$

I Jarque-Beras test av normalitet används testvariabeln

$$JB = \frac{n}{6} \left(S^2 + \frac{1}{4}(K - 3)^2 \right),$$

där n är antalet observationer och S och K är skattningar av datats skevhet och kurtosis. Under nollhypotesen att datat är normalfördelat, så är testvariabeln approximativt χ^2 -fördelad med två frihetsgrader.

Använd MATLAB-funktionen `jbtest` för att avgöra om variablerna för barnets födelsevikt, moderns ålder, moderns längd och/eller moderns vikt är normalfördelade på signifikansnivån 5%.

Problem 6 - Konfidensintervall för skillnad mellan väntevärden för födelsevikter

Vi skall nu gå vidare till att studera skillnaden mellan väntevärden i två populationer, t ex skillnaden i födelsevikt för barn vars mammor röker respektive inte röker under graviditeten. (Om ni vill kan ni ta två andra populationer, och/eller andra variabler att studera!).

I filen `birth.txt` ser man att kolonn 20 i `birth.txt` innehåller rökvanor, och att värdena 1 och 2 betyder att mamman inte röker under graviditeten, medan värdet 3 betyder att hon gör det. Ni kan skapa

två variabler `x` och `y` för födelsevikter hörande till icke-rökande respektive rökande mammor enligt

```
>> x = birth(birth(:, 20) < 3, 3);
```

```
>> y = birth(birth(:, 20) == 3, 3);
```

Vad som händer här är att `birth(:, 20) < 3` returnerar en vektor av "sant" och "falskt", och att bara de rader av kolonn 3 (födelsevikterna i `birth` för vilka jämförelsen är sann, väljs ut. Använd funktionen `length` eller kommandot `whos` för att se storleken på vektorerna `x` och `y`.

För att skatta skillnaden mellan populationernas väntevärden, använder vi som vanligt skillnaden mellan stickprovsmedelvärdena,

```
mean(x) - mean(y).
```

Vad får du för konfidensintervall för skillnad mellan väntevärdena?

Svar:

Diskussion: Är skillnaden signifikant? Motivera.

Problem 7 - Enkel linjär regression

Linjär regression utvecklades under sent 1700-tal av en ung Gauss. Metoden fick ett genomslag när den förutspådde banan för den genom tiderna först upptäckta asteroiden Ceres. Linjär regression används än flitigare idag med

tillämpningar inom i stort sett all vetenskap som behandlar data. Fördjupning i ämnet ges i kursen “Regressionsanalys”.

I denna uppgift ska vi undersöka fenomenet Moores lag. Ladda in datat `moore.dat` på samma sätt som tidigare. I datat så är y antalet transistorer/ytenhet medan x representerar årtalet. Det betyder att om vi plottar dessa variabler mot varandra så ser vi en plot av utvecklingen över tid av antalet transistorer per ytenhet. Antalet transistorer per ytenhet förefaller öka exponentiellt, vilket gör det rimligt att anta att logaritmen av antalet transistorer per ytenhet ökar linjärt med tiden. Inför modellen

$$w_i = \log(y_i) = \beta_0 + \beta_1 x_i + \varepsilon_i.$$

Bilda en matris X som har formen

$$X = \begin{bmatrix} 1 & x_1 \\ 1 & x_2 \\ \vdots & \vdots \\ 1 & x_n \end{bmatrix},$$

där n är antalet observationer i datat och ta sedan fram en skattning av $\hat{\beta} = (\beta_0, \beta_1)^T$ med hjälp av MATLABs funktion `regress`. Plotta din skattade modell

$$\log(\hat{y}) = X\hat{\beta},$$

genom att jämföra $\hat{y}$ med datat y . Plotta sedan residualerna på följande sätt.

```
1 %% Problem 6: Regression
2 res = w-X*beta_hat;
3 subplot(2,1,1), normplot(res)
4 subplot(2,1,2), hist(res)
```

Vilken fördelning ser de ut att komma från? Använd även funktionen `regress` för att bestämma storheten R^2 , vilken är ett mått på hur stor andel av variationen i datat som förklaras av modellen. Om du skattar $\hat{\beta}$ m.h.a. data från 1972 till 2019, vad är då din prediktion för antalet transistorer år 2025?

Referenser

- [1] Dmitry Chizhik, Jonathan Ling, Peter W. Wolniansky, Reinaldo A. Valenzuela, Nelson Costa, and Kris Huber (2003). Multiple-input-multiple-output measurements and modeling in Manhattan *IEEE Journal on Selected Areas in Communications*, Vol **21**, p. 321-331.
- [2] Blom, G., Enger, J., Englund, G., Grandell, J., och Holst, L., (2005). Sannolikhetsteori och statistikteori med tillämpningar.